

BỆNH THỐI QUẢ TÁO MÈO TẠI VIỆT NAM

Phạm Quang Thu, Lê Văn Bình, Nguyễn Minh Chí

Trung tâm Nghiên cứu Bảo vệ rừng, Viện Khoa học Lâm nghiệp Việt Nam

Từ khóa: Bệnh thối quả,
Colletotrichum siamense,
Táo mèo, tính gây bệnh

TÓM TẮT

Táo mèo là một loài cây đặc sản và đã được gây trồng phổ biến ở vùng Tây Bắc Việt Nam. Tổng diện tích trồng Táo mèo đạt khoảng 3.200 ha, sản lượng quả đạt khoảng 6.500 tấn mỗi năm. Tuy nhiên, hiện tượng thối quả khá phổ biến, gây thiệt hại đáng kể cho người dân. Nghiên cứu này nhằm mô tả triệu chứng, thử tính gây bệnh và xác định loài nấm gây thối quả Táo mèo. Kết quả phân lập đã thu được 21 chủng nấm từ các mẫu quả thối, tính gây bệnh của các chủng được chia thành năm nhóm gồm: gây bệnh rất mạnh (5 chủng), gây bệnh mạnh (4 chủng), gây bệnh trung bình (5 chủng), gây bệnh yếu (4 chủng) và không gây bệnh (3 chủng). Trong đó chủng TM2 gây bệnh mạnh nhất và gây ra vết bệnh tương tự như những quả bị thối tự nhiên. Kết quả giải trình tự đoạn gen ITS1 và ITS2 bằng cặp mồi ITS1F và ITS4 đã xác định nấm gây bệnh thối quả Táo mèo là loài *Colletotrichum siamense*. Nghiên cứu này lần đầu ghi nhận nấm *C. siamense* gây thối quả Táo mèo ở Việt Nam và gây bệnh phổ biến trên nhiều loài cây trồng và rất cần được nghiên cứu phòng trừ để hạn chế thiệt hại cho người dân.

Keywords:
Colletotrichum siamense,
Docynia indica,
pathogenicity, rot disease

Rot disease on *Docynia indica* fruit in Vietnam

Docynia indica, a special tree, has been cultivated widely in the Northwest of Vietnam. The area of *D. indica* plantations is about 3,200 hectares, commercial harvesting yielded 6,500 tonnes of fruit per year. However, rot disease on *D. indica* fruit is quite common, causing significant damage and losses. This study aims to describe the symptoms, pathogenicity and identify the pathogen that causes rot disease on *D. indica* fruit. The twenty-one isolates of fungi associated with rotten fruits were isolated and the pathogenicity of those 21 isolates was divided into five groups including: very strong (5 isolates), strong (4 isolates), average (5 isolates), weak (4 isolates) and nil (3 isolates). In which isolate TM2 has the strongest pathogenicity and causes lesions similar to those of natural rotten fruit. *Colletotrichum siamense* was identified as the fungus causing rot disease on *D. indica* fruit by sequencing of ITS1 and ITS2 using primer pair ITS1F and ITS4. This is the first report of *C. siamense* causing rot disease on *D. indica* fruit in Vietnam, but they are recorded as pathogen in many plant species, so further research is needed to manage the disease.